

Proseminar

- Wer sind wir ?
 - Organisation
 - Stil
-
- diese Folien sind in Stine als PDF
 - heute 15 min

Verantwortliche

Kurtz	Genominformatik	Erdgeschoss	lundt@ zbh.uni-hamburg.de
Kirchmair	Chemo-Informatik	Erdgeschoss	kirchmair@...
Torda	num. Modellierung	1. Stock	schade@...
Frau Schade	Zeitplan Organisation	1. Stock	schade@zbh.uni- hamburg.de

Stine

- Sind Sie angemeldet ?
- Lesen Sie Mitteilungen (Email weiterleiten)
 - alle Informationen
 - Lehrmaterial
- diese Folien in Stine
- alles unter 67-251 Proseminar CiS-Biochemie

Struktur

Mischung

- Ausflüge
- Vorträge der Studenten
- Vorträge der Professoren

Anwesenheitspflicht

Aktueller Zeitplan

13.10.	Einführung - Themenvergabe
20.10.	Prof Schwabe
27.10.	Screening port / Frauenfelder
3.11.	DESY
10.11.	UKE, bioinformatics core facility
17.11.	
24.11.	UKE, molekulare Pathologie
1.12.	Philips (?)
8.12.	Seminar
15.12.	Seminar
5.1.	Seminar
12.1.	Seminar
19.1.	Seminar
26.1.	Seminar

Änderungen möglich

Ausflüge

Wir beginnen in zwei Wochen am 27.11.

- Screening Port beim HSV Stadion

Pünktlich

Wer hat eine Veranstaltung vorher ? nachher ?

Ihre Vorträge

- 2 Leute / Thema
- je Person 20 min + Fragen
 - Literatur / Einführung in einen Bereich
 - Programme / Werkzeuge
- Betreuung durch einen Professor / Assistenten

Themen sind in Stine hochgeladen.

- Lesen Sie diese und schicken eine E-mail an: schade@zbh.uni-hamburg.de
- Wer zuerst kommt, mahlt zuerst

Vorträge Planung

Literatur

- Nachforschung – Sie bekommen einen Ausgangspunkt
 - PDF-Datei oder Bibliotheks-Hinweis
 - die meisten Journals – von Uni-IP Adresse / Bibliothek proxy
-
- powerpoint / PDF
 - unsere Laptops / Ihre Laptops / Folien
 - staroffice / openoffice / libreoffice ? (Tränen / eigener Laptop)

Eine Woche vorher

- erste Folien mit Betreuer besprechen

Programme

- Interaktive Darstellung ?
 - eigenen Laptop oder Uni-Laptop (mit Betreuer besprechen)
- Üben Sie – kein zufälliges Klicken

Allgemeines

- Viel Englisch
- Kreativität
 - Folien + Programme + andere Medien

Themen

Ebola - genomics

Cloud computing in der Genomforschung

Chimera – ein Programm für die Darstellung von Makromolekülen

Virtuelles Screening – Wirkstoffentwurf

... noch ein Dutzend andere

Verteilung

Alberg Artur

Beneke Carsten

Brinkmann Maximilian-Friedrich

Haarstrick Lennart

Hussak Sarah-Alexandra

Kuhrt Tim

Rohde Sören

Ruge Pierre

Saddiqa Aisha

Schneeberger Michaela

Tran Kenny

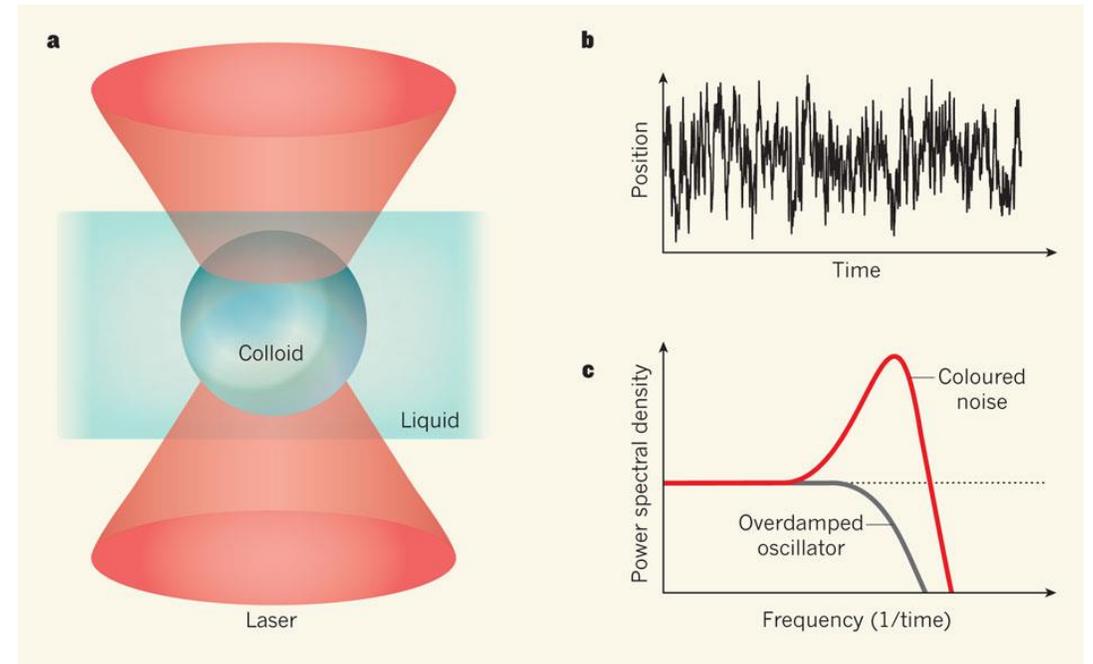
Tsiamis Konstantinos

- sind alle angemeldet ?
- finden Sie einen/eine Partner(in)

- Wir verteilen die Themen bis nächsten Montag

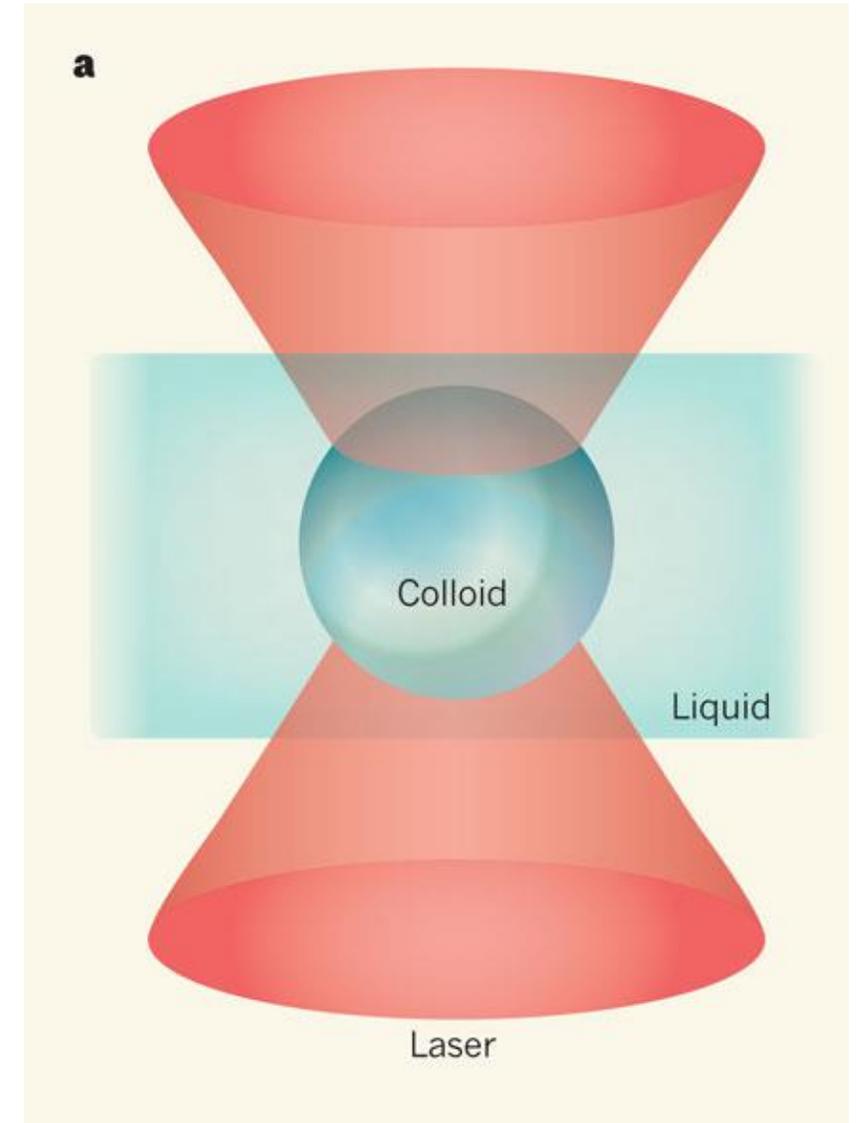
Stil

- Grosse Schrift – lesbar
- Seitennummerierung
- entfernen Sie unnötige Wörter
- Nennen Sie Quellen - Zitate / Bilder
- Was will ich zeigen?
 - besser...



Ein schönes Bild

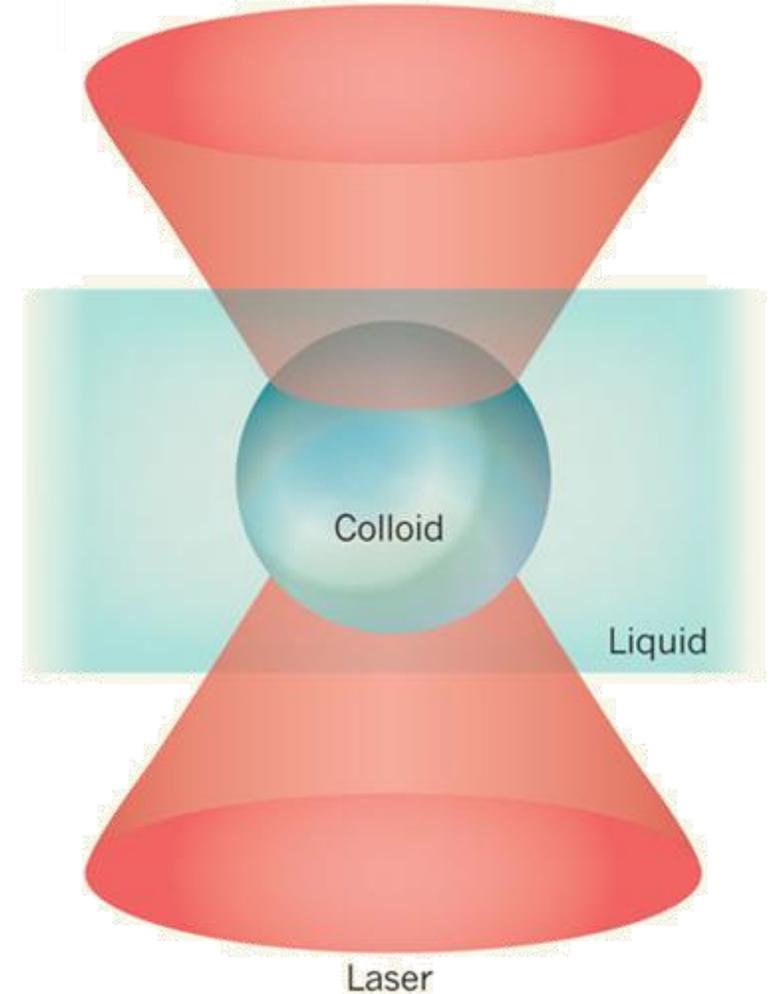
- will man alles zeigen ?
- sogar besser
 - ist "a" relevant ?
 - will ich den Hintergrund ?



Ein schöneres Bild

Ihre Präsentation

- zeigen Sie das Bild ohne
 - irrelevante Verzierungen, Etiketten
- merken Sie sich, was Sie in guten Vorträgen mögen



Gleichungen und Tabellen

- cut and paste ..
$$\chi^2 = \sum_{j=1}^2 \sum_{i=1}^m \frac{[\text{obs}(i,j) - \text{exp}(i,j)]^2}{\text{exp}(i,j)} \quad (2)$$

oder...

$$\chi^2 = \sum_{j=1}^2 \sum_{i=1}^m \frac{[\text{obs}(i,j) - \text{exp}(i,j)]^2}{\text{exp}(i,j)}$$

- auch für Tabellen
- schlechtes Ende...

Quelle

- Autoren, Journal, 1988
- Autoren, Journal, 2011

Danke für Ihre Aufmerksamkeit

- yuk

Andere Unterhaltung

ZBH Seminare

- Do. 16:00 hier (nicht 16:15)
- Genomics, Wirkstoffentwurf, Molekulare Simulationen...

Seminare in der Chemie, Physik, ...

- alle sind öffentlich

Jetzt

- Finden Sie eine(n) Partner(in)
- Lesen Sie die Themen
- E-mail an: schade@zbh.uni-hamburg.de
 - Namen
 - Bevorzugtes Thema
 - ...
- Finden Sie den Prof – Termin vereinbaren

- Fragen ?